

# SOX11在套细胞淋巴瘤组织中的表达及其意义

温永琴, 何建芳 (广东省东莞市人民医院病理科, 广东东莞 523000)

**摘要:** 目的 了解套细胞淋巴瘤(MCL)组织中SOX11表达及意义。方法 采用免疫组化方法检测146例非霍奇金B细胞淋巴瘤组织中SOX11表达。结果 20例MCL、25例Burkitt淋巴瘤、46例弥漫大B细胞淋巴瘤、36例淋巴结及结外边缘区淋巴瘤、19例小淋巴细胞淋巴瘤组织中SOX11阳性表达率分别为100.0%、16.0%、4.3%、2.8%、0%; MCL中SOX11表达率明显高于其它类型B细胞淋巴瘤( $P<0.01$ )。结论 SOX11高表达是诊断MCL的重要免疫组化指标。

**关键词:** B细胞淋巴瘤; 套细胞淋巴瘤; SOX11

中图分类号: R 733.4

文献标志码: A

文章编号: 2096-3610(2019)05-0506-04

## SOX11 expression and significance in Mantle cell lymphoma

WEN Yong-qin, HE Jian-fang (Department of Pathology, Dongguan People's Hospital, Dongguan 523000, China)

**Abstract:** Objective To study SOX11 expression and significance in mantle cell lymphoma (MCL). Methods SOX11 expression was detected by immunohistochemistry in 146 non-Hodgkin's B cell lymphomas. Results Positive expression rates of SOX11 were 100.0% in 20 MCLs, 16.0% in 25 Burkitt lymphomas, 4.3% in 46 diffuse large B cell lymphomas, 2.8% in 36 marginal zone lymphomas, and 0% in 19 small lymphocytic lymphomas. SOX11 expression was significantly higher in MCL than in other B cell lymphomas ( $P<0.01$ ). Conclusion SOX11 overexpression is an important immunohistochemical marker for MCL.

**Key words:** B cell lymphoma; mantle cell lymphoma; SOX11

套细胞淋巴瘤(Mantle cell lymphoma, MCL)是一种高度侵袭性、不可治愈的成熟B细胞淋巴瘤, 占非霍奇金淋巴瘤的5%~10%, 对传统治疗方案反应差, 中位生存期仅4~6 a。MCL作为一个独特的疾病实体得到精准诊断非常重要, 此有利于患者得到及时有效的治疗。大多数套细胞淋巴瘤可根据CD20+、CD79a+、CD5+、Cyclin D1+、CD10-和CD23+/-等特征性的免疫表型和t(11; 14)(q13; q32)确诊, 后者是套细胞淋巴瘤特征性的基因异常, 并能导致Cyclin D1(CCND1)的过表达, 但约10%的MCL缺乏Cyclin D1表达和t(11; 14)(q13; q32)易位<sup>[3]</sup>, 因此识别Cyclin D1阴性套细胞淋巴瘤在常规诊断中具有挑战性, 仅仅依靠Cyclin D1诊断套细胞淋巴瘤可能造成误诊和漏诊。SOX11属于SOX基因家族, 是一个在胚胎发育过程中与细胞增殖、分化相关并起重要作用的转录因子, 文献报道其在套细胞淋巴瘤细胞核中高表达, 包括Cyclin D1阴性的套细胞淋巴瘤

病例<sup>[1]</sup>。本文收集非霍奇金B细胞淋巴瘤标本146例, 采用免疫组织化学法, 观察SOX11在各型B细胞淋巴瘤组织中的表达情况, 了解SOX11在套细胞淋巴瘤诊断及鉴别诊断中的应用价值。

## 1 资料和方法

### 1.1 一般资料

收集我院2009年1月~2018年3月诊断的146例非霍奇金B细胞淋巴瘤标本, 其中套细胞淋巴瘤(MCL)20例, 淋巴结及结外边缘区淋巴瘤(marginal zone lymphoma, MZL)36例, 小淋巴细胞淋巴瘤(small lymphocytic lymphoma, SLL)19例, 弥漫大B细胞淋巴瘤(diffuse large B cell lymphoma, DLBCL)46例, Burkitt淋巴瘤(BL)25例, 所有病例资料经2名高级职称医师复阅。146例中, 男78例, 女68例; 年龄14~87岁, 平均50.5岁。

### 1.2 方法

病理标本经4%中性福尔马林固定, 常规取材, 石蜡包埋制片, HE染色、免疫组化染色及荧光原位杂交(FISH)染色。免疫组化采用En Vision两步法, SOX11采用兔抗人IgG多克隆抗体(购自美国spring

基金项目: 东莞市社会科技发展项目(No.201650715001384)

收稿日期: 2019-05-08; 修订日期: 2019-07-11

作者简介: 温永琴(1981-), 女, 硕士, 副主任医师

bioscience公司),稀释度1:300,室温过夜。二抗采用DAKO公司的通用型二抗,室温孵育1 h,DAB显色。阳性对照采用人脑星形细胞瘤组织,阴性对照用PBS代替一抗。FISH采用安必平公司提供的CCND1/染色体11双色探针试剂盒,按照试剂说明书进行操作。免疫组化以细胞核出现深棕色着色且阳性细胞数大于30%视为阳性。FISH信号的判断,CCND1/染色体11为双色探针,CCND1为红色信号,CEP为绿色信号,正常为单个细胞核中红、绿信号各2个,若单个细胞出现1个红色信号、1个绿色信号和1个黄色信号则视为阳性,黄色信号为IgH/CCND1融合基因。计数200个细胞,CCND1基因异常的细胞大于13%视为阳性。

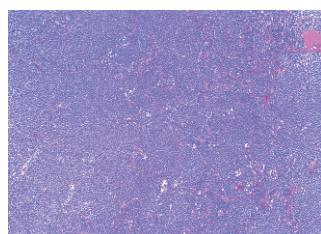


图1 淋巴结结构破坏,肿瘤细胞呈结节状生长(HE $\times$ 40)

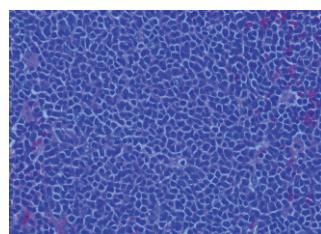


图2 肿瘤细胞中等大小,核略不规则,核仁不明显(HE $\times$ 200)

### 1.3 统计学处理

采用SPSS 19.0软件进行统计学处理,采用 $\chi^2$ 检验, $P<0.05$ 为差异有统计学意义。

## 2 结果

20例MCL均表达SOX11(100.0%),表现为中-强的核着色(图1~3)。36例MZL中有1例(2.8%)肿瘤细胞弥漫阳性,阳性强度中等。19例SLL中1例细胞核散在弱阳性,判读为阴性(0%)。46例DLBCL中有2例(4.3%)肿瘤细胞核弱表达。25例BL中有4例(16.0%)弱到中等表达。SOX11在MCL中的表达率与其他类型淋巴瘤比较,差异有统计学意义( $P<0.01$ )。

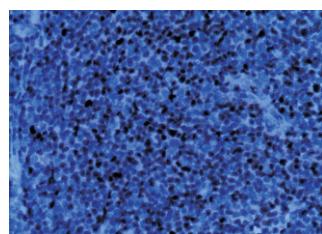


图3 肿瘤细胞SOX11(+)

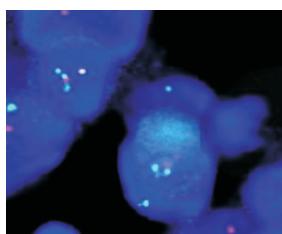


图4 FISH CCND1(+)

## 3 讨论

MCL占非霍奇金淋巴瘤的5%~10%,多见于老年男性,中位年龄60岁,超过70%患者表现为IV期病变,伴全身淋巴结肿大和骨髓侵犯。淋巴结MCL通常表现为结构消失,生长方式可为套区生长、结节性生长或弥漫性生长。瘤细胞小到中等大小,核形轻微至显著不规则,类似中心细胞。核染色质至少有一点稀疏,核仁不明显(图1、2)。遗传学特点为11号和14号染色体发生易位形成t(11; 14)(q13; q32),进而产生免疫球蛋白重链-细胞周期蛋白1(IgH-CCND1)融合基因,导致Cyclin D1(CCND1)高表达。Cyclin D1是一种癌基因,它与其他癌基因(一般是MYC和RUS)协同作用而发挥致瘤功能。典型MCL表达B细胞抗原(CD20、CD79a、CD19、CD22)、T细胞相关抗原CD5以及Cyclin D1(图3),常共同表达IgM和IgD,其中CD5和Cyclin D1是MCL与其他B细胞肿瘤鉴别较为特异的指标。但是约10%的套细胞淋巴瘤缺乏Cyclin D1表达和t(11; 14)(q13; q32),因此识别Cyclin D1阴性MCL在常规诊断中非常困难。一些小B细胞淋巴瘤,如滤泡性淋巴瘤、小淋巴细胞淋巴瘤和边缘区淋巴瘤,在形态

学和表型上均与MCL相似,弥漫大B细胞淋巴瘤与套细胞变异型形态上也难以鉴别。研究表明SOX11是又一个对MCL诊断和预后较为特异的指标,无论Cyclin D1是否表达<sup>[2-4]</sup>。

本文中,SOX11在20例MCL中100%表达,在19例SLL中没有表达(0%),在36例MZL中有1例出现阳性表达(2.8%),在46例DLBCL中有2例表达(4.3%),25例BL中有4例表达(16.0%)。SOX11在MCL中的表达率显著高于其他B细胞淋巴瘤( $P<0.01$ ),显示出其高度特异性。随后,我们将表达SOX11的1例MZL、2例DLBCL和4例BL进行CCND1基因检测,结果显示1个原诊断为DLBCL的病例FISH阳性,其余均为阴性。我们再对这7例非MCL病例的HE切片进行复阅,其中原诊断为MZL的病例镜下主要由小淋巴样细胞、单核样细胞和浆细胞样细胞构成,其间可见残留的生发中心,呈现典型的边缘区淋巴瘤形态。4例BL均有典型的HE形态和免疫表型。而2例原诊断为DLBCL的病例,其中1例镜下为大淋巴样细胞弥漫浸润,细胞核大,核仁明显,呈免疫母细胞样形态;另1例镜下为中等大小细胞,细胞核略不规则,部分可见核仁,染色质较细腻,形态类似母细胞,且CD5+、Ki67指数高(约为80%),临幊上对常用的

DLBCL治疗方案反应差，补做FISH显示CCND1基因有扩增(图4)，因此，这个病例最后更正诊断为套细胞淋巴瘤，母细胞变异型。MCL偶尔会表达CD23，也非常容易与SLL(CD5+、CD23+、Cyclin D1-)混淆，MCL的母细胞变异型和多形性变异型常常不表达Cyclin D1，且部分DLBCL可表达CD5，此时两者的鉴别非常困难。由此可见，当Cyclin D1阴性时，MCL的诊断存在诸多陷阱，在这些情况下，SOX11阳性表达对识别MCL至关重要。

SOX11属于SOX基因家族的一员，是一个神经转录因子，在胚胎时期广泛表达，在成人的组织器官基本不表达。SOX11在大部分髓母细胞瘤和恶性胶质瘤中强阳性表达，且在卵巢上皮性肿瘤和高级别乳腺癌中有预后价值<sup>[5-8]</sup>。SOX11的功能在正常细胞和B细胞肿瘤的发展是未知的。研究表明，正常淋巴组织、原始淋巴细胞或成熟B细胞中不表达，在某些Burkitt淋巴瘤和淋巴母细胞淋巴瘤中有低水平表达，在大部分侵袭性MCL中过度表达<sup>[9-12]</sup>，因此，SOX11是诊断MCL敏感且特异的指标。除了在组织中通过免疫组织化学方法对SOX11进行检测，还可以在外周血或骨髓中通过3流式细胞学方法进行检测<sup>[13]</sup>，定量PCR可以对SOX11 mRNA水平进行定量，高水平mRNA与预后不良有关<sup>[14-15]</sup>。有一小部分MCL不表达SOX11，这部分患者在临幊上呈惰性的生物学行为和更长的生存期，被认为是与传统侵袭性MCL不同的一个特殊亚型，有其独特的特征，包括病变呈白血病样的浸润，一般无淋巴结受累，IgHV高频突变，稳定的染色体核型，低增殖指数，缺乏SOX11表达<sup>[16-20]</sup>。在惰性MCL中缺乏SOX11表达，表明其在传统侵袭性MCL肿瘤形成过程中起重要的癌基因作用<sup>[16]</sup>，并提示SOX11有重要的预后价值。尽管这一观点仍然存在争议，但是利用SOX11可以识别这部分患者，且这部分患者也许可以通过“观察等待”而获益，避免过度治疗。同时，有研究表明伴有淋巴结受累的SOX11阴性MCL总生存期(OS)更短<sup>[16]</sup>。大部分SOX11阴性MCL P53强阳性表达，而P53阳性与更短的OS相关。值得注意的是，部分SOX11阴性白血病型MCL可进展为侵袭性疾病，并且几乎所有病例均有更复杂的核型和17P的丢失，推测17P/TP53的改变可能是MCL进展的机制之一<sup>[16-19, 21]</sup>。

本文中，SOX11基本在细胞核表达。有研究发现部分MCL出现SOX11细胞浆表达，与细胞核表达

SOX11的病例比较，前者的临床表现更具侵袭性，生存期较短<sup>[22]</sup>。在套细胞淋巴瘤细胞中沉默SOX11的表达，能够促进成熟B细胞向早期浆细胞分化表型的转化，表明SOX11通过阻止B细胞分化进程而促进肿瘤的发展<sup>[23]</sup>。

综上所述，MCL是一种恶性程度较高、预后较差的B细胞淋巴瘤，早期诊断、早期治疗非常关键。本文结果显示，SOX11在MCL中高表达，表现为细胞核阳性，表达率显著高于其他B细胞淋巴瘤，且SOX11在MCL中的表达不依赖于Cyclin D1的高表达，其对Cyclin D1阴性的MCL的诊断非常有帮助，是诊断MCL及其判断预后的敏感指标。因此，除了在可疑MCL中应用SOX11以外，推荐在B细胞源性小细胞淋巴瘤中及可疑CD5阳性DLBCL病例中常规应用SOX11，有助于识别其中可能被误诊的Cyclin D1阴性MCL。

## 参考文献：

- [1] JUSKEVICIUS D, RUIZ C, DIMHOFER S, et al. Clinical, morphologic, phenotypic, and genetic evidence of cyclin D1-positive diffuse large B-cell lymphomas with CyclinD1 gene rearrangements [J]. Am J Surg Pathol, 2014, 38(5): 719-727.
- [2] WASIK A M, PRIEBE V, LORD M, et al. Flow cytometric analysis of SOX11: a new diagnostic method for distinguishing B-cell chronic lymphocytic leukemia/small lymphocytic lymphoma from mantle cell lymphoma[J]. Leuk Lymphoma, 2015, 56(5): 1425-1431.
- [3] MOZOS A, ROYO C, HARTMANN E, et al. SOX11 expression is highly specific for mantle cell lymphoma and identifies the cyclinD1-negative subtype [J]. Haematologica, 2009, 94(11): 1555-1562.
- [4] 曹鑫, 姜胜华, 林赠华, 等. SOX11基因在B细胞非霍奇金淋巴瘤中表达研究[J]. 交通医学, 2014, 28(3): 207-213.
- [5] WEIGLE B, EBNER R, TEMME A, et al. Highly specific overexpression of the transcription factor SOX11 in human malignant gliomas[J]. Oncol Rep, 2005, 13(1): 139-144.
- [6] LEE C J, APPLEBY V J, ORME A T, et al. Differential expression of SOX4 and SOX11 in medulloblastoma[J]. J Neuro Onco, 2002, 57(3): 201-214.
- [7] SEMBO S, GUSTABSSON E, BRENNAN D J, et al. The tumour suppressor SOX11 is associated with improved survival among high grade epithelial ovarian cancers and is regulated by reversible promoter methylation[J]. BMC Cancer, 2011, 11(1): 405.
- [8] SHEPHERD J H, URAY I P, MAZUMDAR A, et al. The

- SOX11 transcription factor is a critical regulator of basal-like breast cancer growth, invasion, and basallike gene expression[J]. *Oncotarget*, 2016, 7(11): 13106-13121.
- [9] FEMANDEZ V, SALAMERO O, ESPINET B, et al. Genomic and gene expression profiling defines indolent forms of mantle cell lymphoma[J]. *Cancer Res*, 2010, 70(4): 1408-1418.
- [10] EK S, DICTOR M, JERKEMAN M, et al. Nuclear expression of the non B-cell lineage Sox11 transcription factor identifies mantle cell lymphoma[J]. *Blood*, 2008, 111(2): 800-805.
- [11] DICTOR M, EK S, SUNDBERG M, et al. Strong lymphoid nuclear expression of SOX11 transcription factor defines lymphoblastic neoplasms, mantle cell lymphoma and Burkitt's lymphoma[J]. *Haematologica*, 2009, 94(11): 1563-1568.
- [12] MOZOS A, ROYO C, HARTMANN E, et al. SOX11 expression is highly specific for mantle cell lymphoma and identifies the cyclin D1-negative subtype[J]. *Haematologica*, 2009, 94(11): 1555-1562.
- [13] HAMBORG K H, BENTZEN H H, GRUBACH L, et al. A highly sensitive and specific qPCR assay for quantification of the biomarker SOX11 in mantle cell lymphoma[J]. *Eur J Haematol*, 2012, 89(5): 385-394.
- [14] ROYO C, NAVARRO A, CLOT G, et al. Nonnodal type of mantle cell lymphoma is a specific biological and clinical subgroup of the disease[J]. *Leukemia*, 2012, 26(8): 1895-1898.
- [15] MEGGENDORFER M, KEM W, HAFLERLACH C, et al. SOX11 overexpression is a specific marker for mantle cell lymphoma and correlates with t(11;14) translocation, CCND1 expression and an adverse prognosis[J]. *Leukemia*, 2013, 27(12): 2388-2391.
- [16] BEÀ S, AMADOR V. Role of SOX11 and genetic events cooperating with cyclin D1 in mantle cell lymphoma[J]. *Curr Oncol Rep*, 2017, 19(6): 43.
- [17] ESPINET B, FERRER A, BELLOSILLO B, et al. Distinction between asymptomatic monoclonal B-cell lymphocytosis with cyclin D1 overexpression and mantle cell lymphoma: from molecular profiling to flow cytometry[J]. *Clin Cancer Res*, 2014, 20(4): 1007-1019.
- [18] NAVARRO A, CLOT G, ROYO C, et al. Molecular subsets of mantle cell lymphoma defined by the IGHV mutational status and SOX11 expression have distinct biologic and clinical features[J]. *Cancer Res*, 2012, 72(20): 5307-5316.
- [19] ROYO C, NAVARRO A, CLOT G, et al. Nonnodal type of mantle cell lymphoma is a specific biological and clinical subgroup of the disease[J]. *Leukemia*, 2012, 26(8): 1895-1898.
- [20] MEGGENDORFER M, KEM W, HAFLERLACH C, et al. SOX11 overexpression is a specific marker for mantle cell lymphoma and correlates with t(11;14) translocation, CCND1 expression and an adverse prognosis[J]. *Leukemia*, 2013, 27(12): 2388-2391.
- [21] SANDER B, QUINTANILLA-MARTINEZ L, OTT G, et al. Mantle cell lymphoma-a spectrum from indolent to aggressive disease[J]. *Virchows Arch*, 2016, 468(3): 245-257.
- [22] 王燕婴,于珍,易树华,等. SOX11基因在套细胞淋巴瘤患者中的表达及其临床意义[J]. 中华血液学杂志, 2012, 33(7): 556-560.
- [23] RIBERA-CORTADA I, MARTINEZ D, AMADOR V, et al. Plasma cell and terminal B-cell differentiation in mantle cell lymphoma mainly occur in the SOX11-negative subtype[J]. *Mod Pathol*, 2018, 28(11): 1435-1447.

(上接第500页)

- 13(5): 540-542.
- [8] 陈嵘伟,周飞,周英,等.体外分化Th17细胞IL-17f,ctBP和Gfi1的表达[J].中国皮肤性病学杂志,2014(6): 563-566.
- [9] KIDDER D. Treg17 cells are programmed by Stat3 to suppress Th17 responses in systemic lupus[J]. *Kidney Int*, 2016, 90(1): 222.
- [10] IVANOV I I, MCKENZIE B S, ZHOU L, et al. The orphan nuclear receptor ROR $\gamma$ t directs the differentiation program of proinflammatory IL-17+ T helper cells[J]. *Cell*, 2006, 126(6): 1121-1133.
- [11] MURPHY K M, REINER S L. The lineage decisions of helper T cells[J]. *Nat Rev Immunol*, 2002, 2(12): 933-944.
- [12] CHEN Z, LAURENCE A, KANNO Y, et al. Selective regulatory function of Socs3 in the formation of IL-17-secreting T cells[J]. *Proc Natl Acad Sci USA*, 2006, 103(21): 8137-8142.
- [13] TYAGI A M, SRIVASTAVA K, MANSOORI M N, et al. Estrogen deficiency induces the differentiation of IL-17 secreting Th17 cells: a new candidate in the pathogenesis of osteoporosis[J]. *PLoS One*, 2012, 7(9): e44552.